

特命准教授 奥 牧人

Specially Appointed
Associate Professor

Makito Oku (Ph.D.)

◇研究目的

本分野は、生命情報科学および数理科学の観点から和漢医薬学に関する研究を幅広く支援および推進することを目的とする。

◇研究概要

本分野では、和漢医薬学総合研究所が持つ各データベースの管理業務に関して技術的な側面から支援を行っている。また、研究面に関しては和漢医薬学研究に役立てることを目的とした遺伝子発現量データ解析手法の開発に主に取り組んでいる。

◇原著論文

なし

◇学会報告

- 1) 奥 牧人: 同期性揺らぎ遺伝子の二つの新規抽出法. 第 56 回バイオ情報学研究会; 2018 Dec 14; 岡山
- 2) 奥 牧人: もう一つの主成分分析に基づく同期性揺らぎ遺伝子抽出法. 第 57 回バイオ情報学研究会; 2019 Mar 8; 能美
- 3) 奥 牧人: 二次多項式近似による臨界遷移確率の推定. 非線形問題研究会; 2019 Mar 15; 福井

◇共同研究

- 1) 合原 一幸 (東京大学) 代表, 「生命病態システムの数理モデリングとその個別化医療への応用のための数理的基盤の確立, 科研費基盤 S, 2016 年度~2019 年度
- 2) 小泉 桂一 (和漢研) 代表, 「漢方医薬学と複雑系数理科学の挑戦 ~未病の検出から始まる新たな医療戦略の構築へ~, 科研費基盤 B 特設, 2017 年度~2020 年度
- 3) 齋藤 滋 (医学部) 代表, 「医薬学と複雑系数理学からの挑戦 ~「未病」の解明、そして新たな医療体系の構築と、地域との連携による健康人口の増加~, 学長裁量経費, 2017 年度~2018 年度

◇その他

- 1) 奥 牧人: 遺伝子発現量データ解析の基礎. 和漢研年報, 44: 2-11, 2018.